

[Inicio](#) > Community-wide assessment of protein-interface modeling suggests improvements to design methodology.

Community-wide assessment of protein-interface modeling suggests improvements to design methodology.

Authors: [Fleishman, Sarel](#) / [Whitehead, Timothy](#) / [Strauch, Eva-Maria](#) / [Corn, Jacob](#) / [Qin, Sanbo](#) / [Zhou, Huan-Xiang](#) / [Mitchell, Julie](#) / [Demerdash, Omar](#) / [Takeda-Shitaka, Mayuko](#) / [Terashi, Genki](#) / [Moal, Iain](#) / [Li, Xiaofan](#) / [Bates, Paul](#) / [Zacharias, Martin](#) / [Park, Hahnbeom](#) / [Ko, Jun-su](#) / [Lee, Hasup](#) / [Seok, Chaok](#) / [Bourquard, Thomas](#) / [Bernauer, Julie](#) / [Poupon, Anne](#) / [Azé, Jérôme](#) / [Soner, Seren](#) / [Ovali, Sefik Kerem](#) / [Ozbek, Pemra](#) / [Tal, Nir Ben](#) / [Haliloglu, Türkan](#) / [Hwang, Howook](#) / [Vreven, Thom](#) / [Pierce, Brian](#) / [Weng, Zhiping](#) / [Pérez-Cano, Laura](#) / [Pons, Carles](#) / [Fernández-Recio, Juan](#) / [Jiang, Fan](#) / [Yang, Feng](#) / [Gong, Xinqi](#) / [Cao, Libin](#) / [Xu, Xianjin](#) / [Liu, Bin](#) / [Wang, Panwen](#) / [Li, Chunhua](#) / [Wang, Cunxin](#) / [Robert, Charles](#) / [Guharoy, Mainak](#) / [Liu, Shiyong](#) / [Huang, Yangyu](#) / [Li, Lin](#) / [Guo, Dachuan](#) / [Chen, Ying](#) / [Xiao, Yi](#) / [London, Nir](#) / [Itzhaki, Zohar](#) / [Schueler-Furman, Ora](#) / [Inbar, Yuval](#) / [Potapov, Vladimir](#) / [Cohen, Mati](#) / [Schreiber, Gideon](#) / [Tsuchiya, Yuko](#) / [Kanamori, Eiji](#) / [Standley, Daron](#) / [Nakamura, Haruki](#) / [Kinoshita, Kengo](#) / [Driggers, Camden](#) / [Hall, Robert](#) / [Morgan, Jessica](#) / [Hsu, Victor](#) / [Zhan, Jian](#) / [Yang, Yuedong](#) / [Zhou, Yaoqi](#) / [Kastritis, Panagiotis](#) / [Bonvin, Alexandre](#) / [Zhang, Weiye](#) / [Camacho, Carlos](#) / [Kilambi, Krishna](#) / [Sircar, Aroop](#) / [Gray, Jeffrey](#) / [Ohue, Masahito](#) / [Uchikoga, Nobuyuki](#) / [Matsuzaki, Yuri](#) / [Ishida, Takashi](#) / [Akiyama, Yutaka](#) / [Khashan, Raed](#) / [Bush, Stephen](#) / [Fouches, Denis](#) / [Tropsha, Alexander](#) / [Esquivel-Rodríguez, Juan](#) / [Kihara, Daisuke](#) / [Stranges, Benjamin](#) / [Jacak, Ron](#) / [Kuhlman, Brian](#) / [Huang, Sheng-You](#) / [Zou, Xiaoqin](#) / [Wodak, Shoshana](#) / [Janin, Joel](#) / [Baker, David](#)

Publication: Journal of molecular biology

Volume / Pagination: 414 / 289-302

Palabras clave: [Binding Sites](#), [Models](#), [Molecular](#), [Protein Binding](#), [Proteins](#)

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

Source URL (retrieved on 25 Abr 2024 - 21:51): <https://www.bsc.es/es/research-and-development/publications/community-wide-assessment-protein-interface-modeling-suggests>