

[Inici](#) > Whole genome sequencing delineates regulatory, copy number, and cryptic splice variants in early onset cardiomyopathy

Whole genome sequencing delineates regulatory, copy number, and cryptic splice variants in early onset cardiomyopathy

URL: <https://www.nature.com/articles/s41525-022-00288-y>

Authors: [Lesurf, Robert](#) / [Said, Abdelrahman](#) / [Akinrinade, Oyediran](#) / [Breckpot, Jeroen](#) / [Delfosse, Kathleen](#) / [Liu, Ting](#) / [Yao, Roderick](#) / [Persad, Gabrielle](#) / [McKenna, Fintan](#) / [Noche, Ramil](#) / [Oliveros, Winona](#) / [Mattioli, Kaia](#) / [Shah, Shreya](#) / [Miron, Anastasia](#) / [Yang, Qian](#) / [Meng, Guoliang](#) / [Yue, Michelle](#) / [Sung, Wilson](#) / [Thiruvahindrapuram, Bhooma](#) / [Lougheed, Jane](#) / [Oechslin, Erwin](#) / [Mondal, Tapas](#) / [Bergin, Lynn](#) / [Smythe, John](#) / [Jayappa, Shashank](#) / [Rao, Vinay](#) / [Shenthara, Jayaprakash](#) / [Dhandapany, Perunduraj](#) / [Semsarian, Christopher](#) / [Weintraub, Robert](#) / [Bagnall, Richard](#) / [Ingles, Jodie](#) / [Consortium, Genomics](#) / [Ambrose, J.](#) / [Arumugam, P.](#) / [Baple, E.](#) / [Bleda, M.](#) / [Boardman-Pretty, F.](#) / [Boissiere, J.](#) / [Boustred, C.](#) / [Brittain, H.](#) / [Caulfield, M.](#) / [Chan, G.](#) / [Craig, C.](#) / [Daugherty, L.](#) / [de Burca, A.](#) / [Devereau, A.](#) / [Elgar, G.](#) / [Foulger, R.](#) / [Fowler, T.](#) / [Furió-Tarí, P.](#) / [Giess, A.](#) / [Hackett, J.](#) / [Halai, D.](#) / [Hamblin, A.](#) / [Henderson, S.](#) / [Holman, J.](#) / [Hubbard, T.](#) / [Ibáñez, K.](#) / [Jackson, R.](#) / [Jones, L.](#) / [Kasperaviciute, D.](#) / [Kayikci, M.](#) / [Kousathanas, A.](#) / [Lahnstein, L.](#) / [Lawson, K.](#) / [Leigh, S.](#) / [Leong, I.](#) / [Lopez, F.](#) / [Maleady-Crowe, F.](#) / [Mason, J.](#) / [McDonagh, E.](#) / [Moutsianas, L.](#) / [Mueller, M.](#) / [Murugaesu, N.](#) / [Need, A.](#) / [Odhams, C.](#) / [Orioli, A.](#) / [Patch, C.](#) / [Perez-Gil, D.](#) / [Pereira, M.](#) / [Polychronopoulos, D.](#) / [Pullinger, J.](#) / [Rahim, T.](#) / [Rendon, A.](#) / [Riesgo-Ferreiro, P.](#) / [Rogers, T.](#) / [Ryten, M.](#) / [Savage, K.](#) / [Sawant, K.](#) / [Scott, R.](#) / [Siddiq, A.](#) / [Sieghart, A.](#) / [Smedley, D.](#) / [Smith, K.](#) / [Smith, S.](#) / [Sosinsky, A.](#) / [Spooner, W.](#) / [Stevens, H.](#) / [Stuckey, A.](#) / [Sultana, R.](#) / [Tanguy, M.](#) / [Thomas, E.](#) / [Thompson, S.](#) / [Tregidgo, C.](#) / [Tucci, A.](#) / [Walsh, E.](#) / [Watters, S.](#) / [Welland, M.](#) / [Williams, E.](#) / [Witkowska, K.](#) / [Wood, S.](#) / [Zarowiecki, M.](#) / [Melé, Marta](#) / [Maass, Philipp](#) / [Ellis, James](#) / [Scherer, Stephen](#) / [Mital, Seema](#)

Publication: npj Genomic Medicine

Volume:

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

Source URL (retrieved on 24 Mar 2023 - 15:02): <https://www.bsc.es/ca/research-and-development/publications/whole-genome-sequencing-delineates-regulatory-copy-number-an-0>