

[Inici](#) > Transcriptome and proteome profiling reveals complex adaptations of *Candida parapsilosis* cells assimilating hydroxyaromatic carbon sources

[Transcriptome and proteome profiling reveals complex adaptations of *Candida parapsilosis* cells assimilating hydroxyaromatic carbon sources](#)

URL: <https://dx.plos.org/10.1371/journal.pgen.1009815>

Authors: [Cillingová, Andrea](#) / [Tóth, Renáta](#) / [Mojáková, Anna](#) / [Zeman, Igor](#) / [Vrzoňová, Romana](#) / [Siváková, Barbara](#) / [Baráth, Peter](#) / [Neboháňová, Martina](#) / [Klepcová, Zuzana](#) / [Brázdovič, Filip](#) / [Lichancová, Hana](#) / [Hodorová, Viktória](#) / [Brejová, Broňa](#) / [Vinař, Tomáš](#) / [Mutalová, Sofia](#) / [Vozáriková, Veronika](#) / [Mutti, Giacomo](#) / [Tomáška, Ľubomír](#) / [Gácsér, Atila](#) / [Gabaldón, Toni](#) / [Nosek, Jozef](#) / [Copenhaver, Gregory](#)

Publication: PLOS Genetics

Volume / Pagination: /

Barcelona Supercomputing Center - Centro Nacional de Supercomputación

Source URL (retrieved on 19 set 2024 - 01:34): <https://www.bsc.es/ca/research-and-development/publications/transcriptome-and-proteome-profiling-reveals-complex>